

Print

Covid19: immunité croisée avec les autres coronavirus, phénomènes immunopathologiques

Par [Hélène Banoun](#)

Mondialisation.ca, 01 juillet 2020

Url de l'article:

<https://www.mondialisation.ca/covid19-immunite-croisee-avec-les-autres-coronavirus-phenomenes-immunopathologiques/5646998>

RÉSUMÉ

Le faible pourcentage d'individus ayant développé une Covid-19 symptomatique dans la population peut s'expliquer par l'immunité croisée avec les autres coronavirus. Ce phénomène repose sur l'immunité cellulaire. L'immunité humorale (médiée par les anticorps) pourrait par contre être responsable en partie de certains phénomènes immunopathologiques.

La balance entre cette immunité cellulaire bénéfique et ces phénomènes immunopathologiques pourrait expliquer d'une part la faible représentation des enfants parmi les malades et d'autre part la forte létalité chez les personnes âgées.

Pour faire face à une prochaine pandémie il faudrait donc chercher comment on peut d'une part protéger les populations fragiles et d'autre part améliorer l'état immunitaire de la population mondiale d'un point de vue de santé globale.

Ceci n'est pas uniquement un problème sanitaire mais un problème de société et également un problème économique comme celui de l'état du système de santé de la planète.

INTRODUCTION

Beaucoup de questions concernant la progression de la Covid-19 depuis l'émergence du virus SARS-CoV-2 restent sans réponse.

L'histoire récente (avec les connaissances acquises lors de l'épidémie de SARS de 2003- 2004 et la biologie des coronavirus communs) ne doit pas être négligée (Freythum et al., 2009, Groneberg et al., 2004). Il semble que les hypothèses explicatives actuellement avancées ne s'y réfèrent pas assez.

Le rôle de l'immunité croisée avec les autres coronavirus (virus des rhumes banals et SARS- Cov-1) a été évoqué récemment pour expliquer la faible de proportion de personnes ayant développé la Covid-19 (et semble-t-il la faible proportion de personnes séropositives avec les tests actuels disponibles).

IMMUNITÉ CROISÉE ENTRE COVID ET AUTRES INFECTIONS À CORONAVIRUS

Il s'agit de l'immunité cellulaire (pour les coronavirus banals, SARS et MERS, les anticorps disparaissent au bout de 2 à 3 ans, l'immunité cellulaire persiste 11 ans. (Ng et al., 2016)

En effet, le rôle de l'immunité humorale n'a pas été démontré dans cette immunité croisée. Une publication d'avril 2020 (Pinto et al. 2020) teste un anticorps monoclonal isolé chez un patient survivant du SARS-Cov-1 de 2003 et tente de montrer une neutralisation croisée du SARS-CoV-2 de 2019 . Cet anticorps monoclonal est dirigé contre le domaine de liaison de la spike protéine présente à la surface du virus et caractéristique des coronavirus. Mais il s'agit de pseudovirus (recombinant entre MLV – murine leukemia virus et SARS) ; ils étudient la neutralisation in vitro sur cellules Vero transfectées avec l'ACE2 humain (donc un seul « récepteur » du virus). Donc cette étude trop éloignée de ce qui pourrait se passer in vivo ne peut pas prouver une immunité humorale croisée entre SARS-CoV-1 et SARS-Cov-2.

Il faut donc se tourner vers l'immunité cellulaire contre ce virus.

La sérologie (recherche des anticorps, donc immunité humorale) sera abordée plus bas en rapport avec les phénomènes immunopathologiques retrouvés dans la Covid-19.

Covid, immunité croisée – helene.banoun@orange.fr 1

RAPPEL SUR L'IMMUNITÉ CELLULAIRE

Les cellules CD4+ et CD8+ sont des effecteurs de l'immunité cellulaire et coopèrent avec les lymphocytes B responsables de la production d'anticorps et donc de l'immunité humorale. Ces cellules sont activées lors d'une infection. Ces 2 types cellulaires synthétisent des cytokines ayant différents rôles. Les CD8+ sont plutôt des lymphocytes « tueurs » capables de détruire les cellules infectées par cytolyse et de produire des cytokines nécosantes, les CD4+ produisent plutôt des interférons et interleukines qui sont des cytokines effectrices des réponses Th1 (orientée vers l'immunité cellulaire) et Th2 (orientée vers la production d'anticorps). Ces cellules sont responsables aussi bien des effets bénéfiques (élimination des pathogènes) que délétères (immunopathologie).

Le rôle de l'immunité croisée avec les autres coronavirus (virus des rhumes banals) a été évoqué en 2004 à la suite de l'épidémie de SARS-CoV-1 de 2003. (GIOIA, 2004) Qu'en est-il en 2020 avec le SARS-CoV-2 ?

En avril 2020, l'équipe de Drosten à Berlin (Drosten, 2020-1) a recherché la réactivité cellulaire vis à vis du SARS-CoV-2 chez des patients ayant développé une Covid-19 modérée ou sévère. Seuls les épitopes (déterminants antigéniques) de la Spike protéine ont été testés. Seules les cellules CD4+ ont été testées (pas les CD8+).

83% des patients avaient des CD4+ réactives aux épitopes de la Spike protéine. La réactivité croisée avec les coronavirus des rhumes banals concerne les épitopes de la spike différents du domaine de liaison du récepteur. Tous les donneurs sains (non infectés par la Covid-19) avaient des anticorps contre les HCoV (coronavirus humains banals) .

Également en avril 2020 Grifoni et al.,étudient la réponse cellulaire de jeunes adultes exposés au SARS-CoV-2 et ayant développé une infection bénigne ou modérée.

Les épitopes testés sont tous ceux de la Spike ainsi que des protéines de structure M (membrane), N (nucléocapside) et des protéines non structurales NSP : 100% des CD4+ et 70 % des CD8+ des patients guéris sont réactives. La réactivité des CD8+ n'est pas principalement dirigée contre les épitopes de la spike.

Une réactivité des cellules des non exposés est retrouvée envers les antigènes des parties conservées des protéines structurales et non structurales des HCov : une immunité croisée contre les rhumes banals et le SARS-CoV-2 est donc fortement probable.

En mai 2020, une équipe de Singapour (Le Bert et al., 2020) a recherché les cellules T spécifiques qui étaient associées à la clairance virale chez 24 malades convalescents atteints de Covid moyen à sévère.

Ils ont mis en évidence une réactivité envers les épitopes de la nucléocapside et de protéines non structurales de la région ORF1. La région ORF1 contient des domaines qui sont extrêmement conservés parmi de nombreux coronavirus différents. Les cellules T spécifiques des protéines de structure virales ont une capacité de protection dans les modèles animaux d'infection des voies respiratoires.

Cette étude montre qu'il existe une réactivité croisée avec les épitopes de la NP et des NSP chez des personnes non exposées au SARS-CoV-2, donc suggère une immunité croisée entre celle dirigée contre les HCoV des rhumes banals et celle contre le SARS-CoV-2.

Ces trois études vont donc dans le même sens et tendent à prouver l'existence de cette immunité croisée entre rhumes banals et Covid-19. Cette immunité est dirigée logiquement contre des antigènes communs à tous les coronavirus et non contre les antigènes spécifiques du SARS-Cov-2. Ces antigènes communs sont retrouvés sur les protéines structurales N, M et Spike et aussi sur les protéines non structurales (dont les enzymes de réplication de l'ARN viral). Cette immunité croisée pourrait donc expliquer le faible pourcentage de malades du Covid-19 parmi la population (hormis chez les personnes âgées et les malades chroniques).

Il n'est pas étonnant de trouver cette immunité croisée d'après ce que l'on sait de la répartition des infections à coronavirus banals.

Immunité envers les virus des rhumes communs : la réponse cellulaire est inversement proportionnelle à la durée d'excrétion du virus, mais indépendante de la gravité des symptômes et du taux d'anticorps après guérison. Kirkpatrick, 1996

Les HCov causent 15% à 20 % des rhumes chez les adultes (Greenberg 2016)

On retrouve des HCov chez 5,4% des adultes hospitalisés pour infection respiratoire basse, chez 3 à 8% des enfants de moins de 5 ans hospitalisés avec une maladie respiratoire aiguë (Zimmerman, 2020).

En 2006 à Hong Kong, 200 hospitalisations par année et pour 100 000 enfants de moins de 5 ans étaient dues à des HCov. Les enfants, les personnes âgées et les personnes affaiblies sont les plus susceptibles d'être hospitalisées pour des symptômes respiratoires dus à des HCov. (Van Der Hoek, 2006)

D'après une étude épidémiologique (Gaunt, 2010) ; la plupart des individus font une séroconversion aux 4 HCov communs connus dans l'enfance et ces 4 virus sont détectés dans toutes les tranches d'âge et à une fréquence égale, ils causent des infections tout au long de la vie.

Les ENFANTS sont-ils MOINS ATTEINTS ?

Il apparaît de plus en plus que les enfants sont autant atteints que les adultes mais ne développent que très rarement la maladie et encore plus rarement une maladie sévère (voir les bulletins épidémiologiques Santé Publique France, entre autres). Dans une publication de début juin (IHU, 2020) l'IHU Marseille montre que la proportion d'enfants testés positifs est un peu plus faible que celle des adultes, la charge virale des enfants est légèrement inférieure à celle des adultes et la durée d'excrétion du virus est plus courte.

À Berlin en juin 2020, Drösten et son équipe (Drosten, 2020,2) ne trouvent pas de différence significative entre les charges virales chez les enfants et chez les adultes. Les enfants seraient autant capables que les adultes de transmettre le virus et, comme à Marseille, ils sont contaminés dans les foyers puisque les écoles étaient fermées.

(Remarque sur la « charge virale » : cette expression peut signifier deux notions différentes. Soit la quantité de virions qui infecte un individu lors de la contagion, soit la quantité produite par cet individu suite à la contagion et la multiplication du virus dans les tissus cibles. C'est cette charge virale qui est estimée par la Rt-PCR.

La première grandeur (charge virale lors de la contagion) est simplement supposée, pour mesurer son impact il faudrait entreprendre des contagions volontaires avec différentes charges virales sur des humains, ce qui n'est évidemment pas envisageable. Mais il est admis en virologie que cette charge virale initiale détermine beaucoup l'évolution de la maladie.)

Concernant la très faible représentation des enfants parmi les malades, le rôle de l'immunité croisée avec les rhumes banals a été avancé : ceci est discutable. En effet, comme vu plus haut toutes les tranches d'âge de la population sont régulièrement affectées par les coronavirus banals et présentent une immunité envers ceux-ci. Nous verrons ci-dessous, dans la discussion des phénomènes immunopathologiques que l'inverse pourrait également être le cas étant donné le nombre cumulatif accru d'infections par les HCov chez les patients plus âgés .

D'autres hypothèses pour expliquer la résistance des enfants à la maladie sont listées par King, 2020. Il évoque le rôle joué par le « récepteur » du virus, l'ACE2, et sa plus ou moins grande expression chez les enfants ; il semble difficile d'attribuer un tel phénomène de résistance des enfants à la seule variable d'un des récepteurs identifiés du virus.

IMMUNITÉ INNÉE, PHÉNOMÈNES IMMUNOPATHOLOGIQUES, RÔLE DES ANTICORPS

Immunité innée, phénomènes immunopathologiques

Dès 2007 (Cameron, 2007), le rôle décisif de l'immunité innée et des phénomènes immunopathologiques avait été évoqué à propos du SARS-CoV-1. D'après Grifoni, 2020, chez les personnes âgées, les APC (cellules présentatrices d'antigènes) fonctionnent moins bien et présentent mal l'Ag aux cellules myéloïdes, donc évasion immunitaire du virus, donc amplification des phénomènes immunopathologiques car il y a production de grandes quantités de virus.

On peut dire aussi qu'il y a déficience de l'immunité innée qui permet l'évasion (pour le SARS1 : Cameron, 2007) et pour le SARS-2 Vabret, 2020, King, 2020. Grifoni et al., 2020.

Les formes graves sont associées à de grandes quantités de cytokines, ces cytokines sont associées aux phénomènes immunopathologiques.

Le SARS de 2003-2004 est plus proche du Covid-19 que ce qu'il ressort des références qui y sont faites aujourd'hui. Ses

caractéristiques cliniques étaient finalement assez comparables au Covid (et en partie aussi à celles des maladies à coronavirus communs chez les immunodéprimés) : la gravité de ces infections est toujours déterminée par le terrain du patient.

Une publication de 2008 concernant le SARS de 2003 (Li, 2008) montre chez les personnes âgées une modification dans la balance de l'immunité Th1 (orientée vers la protection) et Th2 (orientée vers les phénomènes inflammatoires) en faveur de cette dernière.

En 2020, des immunologistes reprennent cette hypothèse : Kingston Mills du Trinity College de Dublin et Stanley Perlman de l'université de l'Iowa, évoquent aussi cette balance entre les immunités Th1 et Th2 différente en fonction de l'âge (King, 2020)

Rôle des anticorps dans ces phénomènes immunopathologiques

Pour le SARS-CoV-2, les premiers résultats de séroprévalence en fonction de la sévérité de la maladie montrent une nette corrélation : (Wölfen, avril 2020, Chine, 28 mars, Yu, 2020, Institut Pasteur, Grzelak, avril 2020).

De même les résultats récents (Xin Xu et al., 2020, Chine, 5 juin) laissent penser que seuls les malades sévères de la Covid font des anticorps contre la Spike.

Les tests Elisa courants sont trop spécifiques d'où les très faibles séroprévalences trouvées ici (3,5% en moyenne à Wuhan).

Les personnes infectées mais peu ou pas symptomatiques ne développent pas ce type d'anticorps spécifiques du SARS-CoV-2, elles auraient été protégées par leur immunité croisée envers les coronavirus des rhumes banals. Nous avons vu plus haut que cette immunité croisée était dirigée contre des déterminants antigéniques non spécifiques du SARS-CoV-2.

À Zürich (Cervia et al., 2020) les patients avec Covid modérée ont des taux faibles d'IgG et IgA sériques spécifiques de la Spike.

Les patients avec Covid sévère ont des taux d'IgG et IgA d'autant plus élevés que la maladie a été sévère.

La théorie immunologique orthodoxe nous dira que les anticorps sont synthétisés en plus grande quantité pour défendre le malade contre le virus.

On peut dire, au contraire que le taux élevé d'anticorps est en partie responsable de la gravité de la maladie : le dérèglement immunitaire dû à la réaction inadéquate du patient à l'infection a induit une réaction de type Th2 (humorale et à tendance inflammatoire) plutôt que Th1 (cellulaire).

À quoi est due cette réaction inadéquate?

Certainement au mauvais état de santé global des patients atteints de Covid sévère (ils avaient quasiment tous des comorbidités).

Comment expliquer l'aggravation de la maladie par le taux d'anticorps élevé?

En partie, certainement au moins, par l'effet facilitateur de l'infection engendrée par les anticorps. (comme proposé pour le SARS1 : Cameron, 2007). Pour une revue complète sur les effets facilitateurs des anticorps dans de nombreuses infections virales voir Taylor et al., 2015; pour les coronavirus : Wan et al., 2020; Roper et Rehm, 2009.

CONCLUSION

Il ressortirait de tout cela que les recherches sur la structure du virus et l'immunité spécifique développée par son hôte sont nécessaires mais ne peuvent suffire pour anticiper une future pandémie à virus émergent. Grâce à ces connaissances acquises sur le SARS-Cov-1 et au séquençage rapide du virus émergent, on a su très tôt que le virus responsable de la Covid était un SARS proche cousin de celui de 2003.

An niveau de la santé publique, c'est l'immunité globale de la population et l'état du système de santé qui sont les variables les plus importantes.

Les cas graves de Covid sont apparus chez les individus au système immunitaire défaillant (personnes âgées, immunodéprimés, diabétiques, obèses, etc.), pour faire face à une prochaine pandémie il faudrait donc chercher comment on peut d'une part protéger les populations fragiles et d'autre part améliorer l'état immunitaire (immunité non innée spécifique) de la population mondiale d'un point de vue de santé globale.

Ceci n'est pas uniquement un problème sanitaire mais un problème de société et également un problème économique comme celui de l'état du système de santé de la planète.

Hélène Banoun

RÉFÉRENCES

Freytmuth et al., 2009 <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7125620/>

Groneberg et al., 2004 <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC548145/pdf/1465-9921-6-8.pdf>

Ng et al., 2016, <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/26954467/>

Pinto et al. 2020 <https://www.nature.com/articles/s41586-020-2349-y>

GIOIA, 2004, <https://journals.sagepub.com/doi/pdf/10.1177/039463200501800312>

Drosten, 2020-1, <https://www.medrxiv.org/content/10.1101/2020.04.17.20061440v1.full.pdf>

Grifoni et al., 2020 [https://www.cell.com/cell/pdf/S0092-8674\(20\)30610-3.pdf](https://www.cell.com/cell/pdf/S0092-8674(20)30610-3.pdf)

Le Bert et al., 2020, <https://www.biorxiv.org/content/biorxiv/early/2020/05/27/2020.05.26.115832.full.pdf>

Kirkpatrick, 1996 <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7125839/>

Greenberg 2016 <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7171723/>

Zimmerman, 2020, <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7158880/>

Van Der Hoek, 2006, <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC7109777/>

Gaunt, 2010, <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/20554810/>

IHU, 2020 <https://www.mediterranee-infection.com/wp-content/uploads/2020/06/302-first-pediatric-patients-COVID-diagnosed-in-Marseille.pdf>

Drosten, 2020-2 https://virologie-ccm.charite.de/fileadmin/user_upload/microsites/m_cc05/virologie-ccm/dateien_upload/Weitere_Dateien/Charite_SARS-CoV-2_viral_load_2020-06-02.pdf

King, 2020

<https://www.the-scientist.com/news-opinion/possible-biological-explanations-for-kids-escape-from-covid-19-67273>

Cameron, 2007 <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/17537853/>

Vabret, 2020, <https://umfcs.u-bordeaux.fr/documents/informations-covid-19/publications-scientifiques/1-s2.0- S1074761320301837-main.pdf>

Li, 2008 <http://europepmc.org/article/PMC/2683413#free-full-text>

Yu, 2020 <https://academic.oup.com/cid/advance-article/doi/10.1093/cid/ciaa345/5812997>

Grzelak, avril 2020, <https://www.medrxiv.org/content/10.1101/2020.04.21.20068858v1>

Xin Xu et al., 2020, <https://www.nature.com/articles/s41591-020-0949-6.pdf>

Cervia et al., 2020, <https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2020.05.21.108308v1.full.pdf>

Taylor et al., 2015 <https://onlinelibrary.wiley.com/doi/full/10.1111/imr.12367>

Wan et al., 2020, <https://jvi.asm.org/content/94/5/e02015-19>

Roper et Rehm, 2009 <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/19538115/>

Avis de non-responsabilité: Les opinions exprimées dans cet article n'engagent que le ou les auteurs. Le Centre de recherche sur la mondialisation se dégage de toute responsabilité concernant le contenu de cet article et ne sera pas tenu responsable pour des erreurs ou informations incorrectes ou inexactes.

Copyright © Hélène Banoun, Mondialisation.ca, 2020